

Supplementary Material, Table 1

SNPs|with **unadjusted** P < 0.05 with one of the four genetic models tested.

<u>SNP ID</u>	<u>Gene Region</u>	<u>chr</u>	<u>position¹</u>	<u>Hardy-Weinberg P</u>	<u>MAF²</u>	<u>General</u>	<u>Additive</u>	<u>Dominant</u>	<u>Recessive</u>
rs2421707	FMO1_2_3_4	chr1	169399875	0.32	0.29	0.087	0.049	0.21	0.038
rs7891433	FMO1_2_3_4	chr1	169406382	0.85	0.26	0.10	0.12	0.43	0.034
rs4480395	FMO1_2_3_4	chr1	169485579	0.12	0.20	0.027	0.050	0.29	0.008
rs718016	FMO1_2_3_4	chr1	169565639	0.68	0.13	0.053	0.038	0.087	0.050
rs2294482	FMO1_2_3_4	chr1	169567583	0.94	0.41	0.064	0.019	0.058	0.067
rs1934952	CYP2C8_9_18_19	chr10	96787490	0.17	0.11	0.071	0.034	0.091	0.050
rs2275620	CYP2C8_9_18_19	chr10	96792588	0.047	0.27	0.035	0.06	0.013	0.98
rs11572139	CYP2C8_9_18_19	chr10	96798876	0.52	0.10	0.11	0.042	0.073	0.16
rs7909236	CYP2C8_9_18_19	chr10	96819420	0.33	0.34	0.091	0.16	0.044	0.76
rs12443580	CES1	chr16	54423838	0.61	0.42	0.15	0.049	0.082	0.15
rs8192712	CYP2B6	chr19	46192140	1.00	0.27	0.021	0.0058	0.0076	0.13
rs2668207	BCHE	chr3	166976418	0.40	0.34	0.0014	0.0024	0.00031	0.50
rs2686409	BCHE	chr3	166978094	0.50	0.14	0.026	0.0069	0.013	0.073
rs2668196	BCHE	chr3	166985403	0.78	0.27	0.0040	0.0067	0.0010	0.71
rs1355538	BCHE	chr3	166987871	0.21	0.38	0.0024	0.0088	0.00064	0.52
rs4680662	BCHE	chr3	166999244	0.65	0.27	0.0088	0.012	0.0024	0.71
rs4680663	BCHE	chr3	167015102	1.00	0.036		0.013	0.013	
rs2048493	BCHE	chr3	167026996	0.50	0.34	0.0047	0.0017	0.0013	0.11
rs4680607	BCHE	chr3	167036281	0.90	0.10	0.039	0.035	0.094	0.024
rs930072	AIM	chr5	36701828	1.00	0.35	0.043	0.081	0.017	0.97
rs2299261	PON1-3	chr7	94787599	0.25	0.18	0.057	0.37	0.97	0.021
rs2237584	PON1-3	chr7	94788773	0.22	0.25	0.069	0.043	0.17	0.03
rs7802018	PON1-3	chr7	94898249	0.24	0.13	0.012	0.019	0.10	0.0039
rs12333983	CYP3A4_5_7_43	chr7	99192050	0.24	0.37	0.14	0.12	0.45	0.047
rs4646437	CYP3A4_5_7_43	chr7	99203019	0.79	0.24	0.014	0.010	0.063	0.0073
rs1403195	CYP3A4_5_7_43	chr7	99262267	0.25	0.33	0.025	0.0067	0.014	0.064

¹Position is based on NCBI Build 36.1

²Minor Allele Frequency